

**COORDENAÇÃO ACADÊMICA
NÚCLEO DE GESTÃO DE ATIVIDADES DE PESQUISA**

Projeto de Pesquisa Registrado – Informações Gerais

1. Coordenador (a): Simone Alves Silva

(sas@ufrb.edu.br).

Vice-Coordenador (a): Gean Carlo Soares Capinan

2. Título do projeto: Formação de População segregante de *Ricinus communis* L. para fins de melhoramento da espécie

3. Código: 2092, processo 23007.012711/2018-08

4. Data de aprovação: 29/06/2018

5. Área de Conhecimento: CCAAB – Área 3 : Fitotecnia

6. Resumo

A mamoneira (*Ricinus communis* L.) apresenta elevada capacidade de adaptação às adversidades ambientais, tendo nas suas múltiplas aplicações grande importância, imprimindo à cultura um alto valor socioeconômico, sendo um dos motivos primordiais para implantação da cultura em várias regiões do Brasil. No entanto, a seleção de material adaptados às diversas condições ambientais, com alta produtividade e elevado teor de óleo, requer estudos que indiquem aqueles com melhores resultados e que possam ser utilizados pelos produtores, conferindo-lhes melhor produção e conseqüentemente maior rentabilidade. Sendo assim, o objetivo desse estudo é realizar a caracterização morfoagronômica por meio dos caracteres: estatura de planta (EST), peso de frutos por planta (PF), peso de sementes por planta (PSP), número de sementes por planta (NSP) e teor de óleo na semente (TOS), como estande final (EST), número de racemos emitidos por planta (NRE), número de racemos colhidos por planta (NR), número de racemos abortados por planta (NRA), altura de caule (AC), diâmetro de caule (DC), comprimento médio de internódios do caule (CMIC), número de internódios do caule (NIC), comprimento efetivo (útil) de racemo (CER), comprimento de racemo (CR), comprimento de racemo sem enchimento (CRSE), peso de racemo (PR), peso de frutos por racemo (PFR), peso de sementes por racemo (PSR), número de frutos por racemo (NFR), número de sementes por racemo (NSR), peso de frutos por parcela (PFP), peso de sementes por parcela (PSP) e potencial produtivo de sementes (PP) e molecular da Geração F2 obtidos da condução dos parentais: P2 (36), P3 (122), P4 (160), P5 (176), P6 (193), P7 (248), P8 (255) e dos híbridos proveniente de cruzamentos destes: H1 (176 x 248), H6 (255 x 122), H10 (79 x 122), H12 (176 x 193) e H17 (160 x 36), possibilitando

inferir sobre a divergência existente dentro da população e assim selecionar indivíduos contrastantes que apresentem um maior número de caracteres de interesse, podendo dessa forma, selecionar genitores capazes de gerar progênie com caracteres desejáveis, e que sirvam como base para futuros cruzamentos. Os dados morfoagronômicos serão submetidos à análise de variância, análise de correlação linear de Pearson, análise de trilha, e os valores serão agrupados segundo teste de Scott e Knott, em nível de 5% de probabilidade. Os dados moleculares serão utilizados para realização da análise de agrupamento hierárquico por meio do método UPGMA. Sendo assim, os estudos aqui descritos possibilitará a identificação de Genótipos contrastantes nos mais diversos caracteres bem como Ge

7. Prazo de execução

7.1. Início: 04/05/2018

7.2. Término: 03/02/2021

8. Equipe executora

8.1. Colaboradores

Colaborador (a)	Instituição/ Grupo de Pesquisa
Laurenice Araujo dos Santos	ufrb

8.2. Discentes

Discente	Curso
Sávio Rocha Barreto da Silva	Agronomia

8. Agência Financiadora:

10. Modalidade de financiamento:

GIRLENE SANTOS DE SOUZA
Gestora de Pesquisa do CCAAB/UFRB



**COORDENAÇÃO ACADÊMICA
NÚCLEO DE GESTÃO DE ATIVIDADES
DE PESQUISA**

