

**COORDENAÇÃO ACADÊMICA
NÚCLEO DE GESTÃO DE ATIVIDADES DE PESQUISA**

Projeto de Pesquisa Registrado – Informações Gerais

1. Coordenador (a): Ricardo Franco Cunha Moreira

(ricardofcm@ufrb.edu.br).

Vice-Coordenador (a):

2. Título do projeto: ESTIMATIVAS DE PARÂMETROS GENÉTICOS EM POPULAÇÕES SIMULADAS PARA FINS DE CONSERVAÇÃO EM CONDIÇÕES DE DERIVA GENÉTICA

3. Código: 1930, processo 23007.001394/2018-96

4. Data de aprovação: 08/12/2018

5. Área de Conhecimento: CCAAB – Área 1 : Ciências Biológicas

6. Resumo

A ruptura em uma unidade de paisagem que inicialmente era contínua por meio da ação antrópica de devastação define o processo de fragmentação florestal. Como consequências, as unidades remanescentes do processo ficam desconectadas, apresentando diferentes tamanhos e sujeitas a uma série de efeitos deletérios como é o caso da deriva genética. A deriva afeta de maneira significativa a frequência dos genes, ocasionando o afastamento dos mesmos dos que eram da população original, e de modo mais extremo contribui para a perda de alelos. Estudos genéticos de populações naturais buscam avaliar e quantificar como a variabilidade genética está distribuída no tempo e no espaço. Porém, no setor florestal existem poucas metodologias a serem seguidas e a implantação de estudos na área demanda altos custos. Por isso, o uso da simulação de dados na área da genética de populações proporciona o desenvolvimento de novos métodos estatísticos para auxiliar na análise de diversidade, define processos da história e estrutura da população, a fim de, prever frequências alélicas e genotípicas. O estudo objetiva testar diferentes procedimentos biométricos, através da simulação de dados provenientes de programas computacionais, a fim de auxiliar nas inferências em relação à conservação dos recursos genéticos de populações naturais sob condições de deriva genética. Observou-se que variáveis biométricas descritivas como heterozigosidade observada (H_o) e heterozigosidade esperada (H_e) são parâmetros eficientes para diferenciar aumento de heterozigotos em populações sob efeito de deriva genética e que as metodologias testadas são

bons indicadores para diferenciar populações que sofrem processos que afetam as frequências gênicas.

7. Prazo de execução

7.1. Início: 01/02/2018

7.2. Término: 01/02/2022

8. Equipe executora

8.1. Colaboradores

Colaborador (a)	Instituição/ Grupo de Pesquisa
Andréa Vita Reis Mendonça	UFRB/CCAAB
Carlos Alberto da Silva Ledo	Embrapa Mandioca e Fruticultura
Edna Lôbo Machado	UBRB/CCAAB
Antônio Marcos Rosado	Doutor (UFV)
Elaine Costa Cerqueira Pereira	UFRB/CCAAB/PNPD
Daniela Acosta Brito	UFRB

8.2. Discentes

Discente	Curso
Daiane Sampaio Almeida	Doutorado
Sandra Domingos João Afonso	Doutorado
Antonio Leandro da Silva Conceição	Doutorado
Raquel Janaina Amorim Silva	Engenharia Florestal



**COORDENAÇÃO ACADÊMICA
NÚCLEO DE GESTÃO DE ATIVIDADES
DE PESQUISA**

